Informačný list predmetu

Akademický rok 2024/2025

Vysoká škola	Univerzita sv. Cyrila a Metoda v Trnave
Fakulta	FPV UCM
Kód predmetu	KBT/dd311/21
Názov predmetu	nové trendy, postupy a metódy v štúdiu živých organizmov
Rozsah	2P + 2S
Počet kreditov	10
Vyučujúci	RNDr. Michal Konečný, PhD. (prednášajúci), prof. RNDr. Ján Kraic, PhD. (prednášajúci)

Podmienky na absolvovanie predmetu

Vypracovanie práce na zadanú tému v oblasti genomiky (40 % bodov), prezentovanie a diskusia k práci (40 % bodov), zodpovedanie otázok preverujúcich vedomosti týkajúcich sa genomiky (20 % bodov).

Priebežné hodnotenie

Vypracovanie práce na zadanú tému v oblasti genomiky (40 % bodov), prezentovanie a diskusia k práci (40 % bodov), zodpovedanie otázok preverujúcich vedomosti týkajúcich sa genomiky (20 % bodov).

Záverečné hodnotenie

Vypracovanie práce na zadanú tému v oblasti genomiky (40 % bodov), prezentovanie a diskusia k práci (40 % bodov), zodpovedanie otázok preverujúcich vedomosti týkajúcich sa genomiky (20 % bodov).

Výsledky vzdelávania

• Študent nadobudne vedomosti o nových postupoch, metódach a trendoch v molekulárnej biológii, genetike, biochémii a genomike, medicíne, v študovaní a analýze biologických systémov.
• Študent získa teoretické základy kompetencie na uplatnenie sa vo vedeckej alebo diagnostickej praxi a riešení praktických úloh.

Stručná osnova predmetu

1. Metódy komparatívnej a evolučnej genomiky
2. Metódy funkčnej genomiky a transkriptomiky
3. Technológie DNA mikročipov a ich využitie v praxi
4. Analýzy genetickej transformácie, expresie génov
5. Personalizovaná genomická medicína
6. CRISPR-CAS9 technológia a jej využitie
7. Využitie kmeňových buniek v biológii a regeneratívnej medicíne
8. Technológie masívneho paralelného sekvenovania genómov – 2. generácia sekvenovania
9. Technológie celomolekulového sekvenovania – 3. generácia sekvenovania
10. Technológie celomolekulového masívneho paralelného sekvenovania – 4. generácia sekvenovania
11. Genomické databázy a bioinformatické postupy v genomických technológiách
12. Metagenomické a epigenomické prístupy a ich využitie

Odporúčaná literatúra

• J. Radvánszky, T. Szemes: Úvod do biomedicínskych aplikácií vysokoparalelného sekvenovania. Bratislava, CVTI SR, 2021, ISBN 978-80-89965-89-2
• Next Generation Sequencing: Advances, Apeditor. Rijeka (HR): InTech; 2016 Jan 14. Applications and Challenges [Internet]. Kulski JK
• Arthur M Lesk, A. M.: Introduction to Genomics. Oxford University Press, 2012
• Pevsner, J.: Bioinformatics and Functional Genomics, Wiley-Blackwell, 2015
• Review publikácie z vedeckých časopisov.

Jazyk, ktorého znalosť je potrebná na absolvovanie predmetu

1. slovenský jazyk
2. anglický jazyk